

นักศึกษา	นางสาวณัฐา จิรศิลป์
รหัสประจำตัว	6100878
นักศึกษา	นางสาวกชพร รักศรีสว่าง
รหัสประจำตัว	6100318
ปริญญา	วิทยาศาสตรบัณฑิต
สาขาวิชา	วิทยาศาสตร์ชีวการแพทย์
ปี พ.ศ.	2564
อาจารย์ที่ปรึกษางานวิจัย	รศ.ดร.วนิดา พงศ์สถาพร
อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม	รศ.ดร.ธเนศ พงศ์ธีรัตน์
เรื่อง	ความผันแปรทางพันธุกรรมของยีน <i>MiR-27a</i> กับ <sup>1</sup> ลักษณะทางพยาธิคลินิกของผู้ป่วยมะเร็งเต้านมไทย
คำสำคัญ	ความผันแปรทางพันธุกรรม, <i>MiR-27a</i> , มะเร็งเต้านม

## บทคัดย่อ

ไมโครอาร์เอ็นเอมีหน้าที่หลักคือควบคุมการแสดงออกของ oncogene และ tumor suppressor gene ซึ่งมีผลต่อกระบวนการต่าง ๆ ภายในเซลล์มากมาย single nucleotide polymorphism (SNPs) ของยีน *miR-27a* (rs895819) A>G ที่ควบคุมการสร้าง ไมโครอาร์เอ็นเอ อาจมีผลต่อการแสดงออกของ ไมโครอาร์เอ็นเอ ซึ่งอาจส่งผลต่อการดำเนินโรคของมะเร็งเต้านม งานวิจัยนี้มี จุดประสงค์เพื่อศึกษาความสัมพันธ์ของความผันแปรทางพันธุกรรมของ *miR-27a* (rs895819) A>G ของผู้ป่วยมะเร็งเต้านมในประเทศไทยกับข้อมูลทางพยาธิคลินิก พบว่า *miR-27a* (rs895819) A>G ไม่มีความสัมพันธ์กับ อายุ เพศ Stage Estrogen receptor และ HER2 receptor ในขณะที่พบ ความสัมพันธ์ระหว่างความผันแปรทางพันธุกรรมของยีน *miR-27a* (rs895819) A>G กับลักษณะทางพยาธิคลินิกของผู้ป่วยมะเร็งเต้านม อย่างมีนัยสำคัญทางสถิติกับ grading ของมะเร็งเต้านมใน ผู้ป่วยที่เป็น poorly differentiation ( $p = 0.009$ ) นอกจากนี้ยังพบความสัมพันธ์อย่างมีนัยสำคัญทาง สถิติกับ Progesterone Receptor ( $p = 0.019$ ) และ Triple negative breast cancer ( $p = 0.041$ ) ซึ่งอาจ ใช้ *miR-27a* (rs895819) A>G เป็นตัวบ่งบอกถึงการพยากรณ์โรคที่ไม่ดี

<b>Student</b>	Miss Nadwasa Jirasin
<b>Student ID.</b>	6100878
<b>Student</b>	Miss Kotchaporn Ruksrisawang
<b>Student ID.</b>	6100318
<b>Degree</b>	Bachelor of Science
<b>Program</b>	Biomedical Sciences
<b>Year</b>	2021
<b>Research/ Project Advisor</b>	Associate Professor Dr.Wanida Pongstaporn
<b>Co-Advisor</b>	Associate Professor Dr.Tanett Pongtheerat
<b>Title</b>	<i>MiR-27a (rs895819) Polymorphism and clinicopathological data in Thai Breast cancer patients</i>
<b>Keywords</b>	Single nucleotide polymorphism, <i>MiR-27a</i> , breast cancer

## ABSTRACT

MicroRNAs are primarily function for regulating the expression of oncogenes and tumor suppressor genes, thus affecting many intracellular processes. Single nucleotide polymorphism (SNPs) of *miR-27a* gene (rs895819) A>G that regulates the MicroRNAs may affect its gene expression. Therefore, it may affect the disease progression of breast cancer. The aim of this study was to investigate the association of *miR-27a* (rs895819) A>G in Thai breast cancer patients with clinico-pathological data. It was found that *miR-27a* gene (rs895819) A>G was not associated with age, sex, estrogen receptor, stage and HER2 receptor. Whereas, *miR-27a* (rs895819) A>G was statistically significant associated with the grading of breast cancer with poorly differentiated ( $p = 0.009$ ). Moreover, it was also statistically significant associated with the Progesterone Receptor ( $p = 0.019$ ) and triple negative breast cancer ( $p = 0.041$ ). Therefore, *miR-27a* (rs895819) A>G may be used as biomarker of breast cancer prognosis.